

版本: 20220801

## rProtein G Agarose Beads 4FF (QS01009)

## 目录

<b>—</b> 、	产品介绍	1
<del>-</del> .\	产品介绍 溶液制备	1
=(	样品制备	1
一、	纯化流程	····· າ
工 口,	清洗	∠ ວ
デ Tアノ	常见问题 订购信息	∠
<b>/</b> \>	<b> </b>	
七、	订购信息	3

## 一、产品介绍

千株松rProtein G Agarose Beads 4FF(QS01009)是一种能从生物体液、细胞培养基中便捷、一站式纯化免疫球蛋白及其子类或片段的亲和层析介质。它是由重组的Protein G 蛋白结合到 4%的琼脂糖构成。每 ml 的 Protein G 亲和层析介质可以结合超过20mg 的IgG。层析介质的吸附总量主要由几个因素决定,如目的抗体的总量,流速等。

Protein G 蛋白发现于 G 类链球菌细胞壁,它可以通过 Fc 片段与哺乳动物的IgGs 结合。天然 的 Protein G 有 3 个 IgGs 结合位点,同时还有白蛋白和细胞表面结合位点。重组 Protein G 去除了这些多余的结合位点,只保留 IgGs 结合位点,减少了交叉反应和非特异性吸附。虽然Protein G 和 Protein A 的三级结构非常相似,但是他们的氨基酸序列却有很大的差别,因此它们的特征也截然不同。 Protein G 能够用于纯化一些不能与Protein A 很好结合的哺乳动物单克隆或多克隆 IgGs。对于多数的哺乳动物 Protein G 蛋白比 Protein A 有着更高的亲和力,如人 IgG3,鼠 IgG1 和兔 IgG2a。与 Protein A 不同,Protein G 不能和人的 IgM, IgD 和IgA 结合。

表1、rProtein G Agarose Beads 4FF产品特点

Per i i i otem o i igai ose Deads ii i / HH   4 ////				
基质	4%高刚性琼脂糖			
粒径范围	45-165µm			
平均粒径	70±5μm			
结合载量	≥30mg 山羊IgG/mL填料			
化学稳定性	所有常用缓冲溶液中稳定			
流速	≤ 500cm/h			
操作压力	≤0.3MPa			
贮存溶液	20%乙醇			
贮存温度	4-8°C			

#### 二、 溶液配置

使用的试剂和水必须比较洁净,配制完成后请用0.45 μm 的滤器进行过滤。

Binding/Wash Buffer: 20 mM Na<sub>2</sub>HPO<sub>4</sub>, 0.15 M NaCl, PH=7.0

Elution Buffer: 0.1 M 甘氨酸, PH=2.5

中和 Buffer: 1 M Tris-HCl, PH=8.5样品制备



- 1、样品所在溶液要和平衡液保持一致,可以用平衡液进行裂解、透析/超滤/G25进行缓冲液置换。
- 2、样品过滤(平均粒径<45μm,用0.22μm过滤;45μm<平均粒径<165μm,用0.45μm过滤;平均粒径>165μm,用0.8μm过滤)。

### 三、 纯化流程

下面的步骤是以 0.5ml 的柱体积为例,使用其他的柱体积,使用的 Buffer 体积可以按照比例扩大或 者缩小。 样品准备 为了确保一定的离子强度和适当的PH 值使抗体能够更加有效的结合在 Protein G 亲和层析介质上, 需要适当的使用 Binding/Wash Buffer 稀释血清或者腹水,比例至少 1:1。或者把样品在 Binding/Wash Buffer 中透析过夜。

## 层析柱填充

- 1) 充分摇匀,取 1mL 匀浆到一个预先装有 1 mL Binding/Wash Buffer 的层析柱中。
- 2) 让填料自然沉降到柱子底部。
- 3)加入 5 mL Binding/Wash Buffer 到柱中,让 Buffer 缓慢的流出,流速大约为 1 mL/min。

#### 过柱纯化

- 1)加入样品,让样品缓慢的流出,流速大约为 0.2-0.5 mL/min。收集流出液,待后续可使用 SDSPAGE 检测纯化效率。如有必要,可以重复或循环上样。
- 2)使用大约 30 mL Binding/Wash Buffer 洗涤,流速大约为 2mL/min,或者使用紫外检测仪直到A280 值稳定为止。
- 3)洗杂完毕后,加入 10-15 ml Elution Buffer,使用较低流速大约 1mL/min,收集洗脱液,加入中和 Buffer(1/10 洗脱液体积)调节 PH 到 7.4。

#### 填料再生

加入 10 mL 的 Elution Buffer 洗涤,或者使用 10mL 的 6M 盐酸胍(PH 8.0)洗涤,再加入 5 mL Binding/Wash Buffer 重新平衡填料。填料能够重复再生 10 次,配体脱落率低。储存 Protein G 亲和层析介质需保存在含有 20%乙醇的 Binding/Wash Buffer 中,2-8℃保存。严禁冻结。

## 清洗

- 1、用O.1M NaOH 缓慢冲洗不低于5CV
- 2、用纯化水冲洗至 pH 中性。
- 3、用20%乙醇冲洗3CV,4℃保存。

### 四、 常见问题

问题	可能原因	解决方 案
纯化时目标物不与介质	1.上样量过载	降低上样量
结合或结合量较低	2.上样流速过快	降低上样流速
	3.蛋白或脂类在介质中聚集	及时有效地清洗介质或更换新的介



# 江苏千株松生物科技有限公司

	正为"T 7内4工为"T 1人 1 10"	CAN
		质
	4.目标物和介质结合力弱	确认IgG来源及亚型,选择正确的 介质
	5.纯化时选择的缓冲液不合适	确认样本中的pH,结合力弱的目标物可以通过调高pH(8-9)和增加盐浓度(1-3M NaCl)来提高样本和介质的结合力
洗脱时没有收集到目 标物或只收集到少量	1.目标物没有与介质结合或结合量较少	先确认目标物是否与介质结合
目标物	2.洗脱条件不合适	降低洗脱液pH至2.5-3.0
	3.洗脱时间不够	降低流速,延长洗脱液的保留时间
	4.洗脱体积过小	加大洗脱体积
目标物纯度较低	1.样品没有经过前处理	根据样品的来源,上柱前必须要经 过离心、过滤或稀释
	2.样品粘度过高	用平衡液适当的稀释样品,降低样 品 粘度和浓度。
	3.洗杂不彻底	加大洗杂体积直至基线平稳并与平 衡 液一致
	4.杂质蛋白或脂类在介质中聚集沉淀	及时有效地清洗介质
	5.目标物出现降解	注意样本纯化前后的保存条件,不得在高温、过酸、过碱条件长时间放置
	6.柱料装填效果不佳	重新装填或购买
	7.分离柱顶部有较大储样体积	重新装柱或降低储样体积
	8.介质中有微生物生长	介质使用完后,请及时正确保存介质
介质载量下降	1.上样流速过快	降低上样流速
	2.蛋白或脂类在介质中聚集,导致载量 下降	及时清洗介质
	3.使用次数过多,配基逐渐脱落	更换新介质
色谱峰上升过陡	介质装填过紧	重新装柱
色谱峰上升过缓或拖 尾	介质装填太松	重新装柱
柱床有裂缝或干涸	出现泄露或大体积气泡引入	检查管路是否有泄露或气泡,重新 装柱
液流较慢	1.蛋白或脂类聚集	及时清洗介质或滤膜
<u> </u>	•	•

# 五、 订购信息

产品名称	货号	
耐碱 rProtein A Agarose Resins 4FF	QS01007	
rProtein A Agarose Resins 4FF	QS01008	
rProtein G Agarose Resins 4FF	QS01009	
rProtein L Agarose Resins 4FF	QS01010	
rProtein A/G Agarose Resins4FF	QS01011	